



PSR
2014 2020
LOMBARDIA
L'INNOVAZIONE
METTERADICI



Fondo Europeo Agricolo per lo Sviluppo Rurale: l'Europa investe nelle zone rurali



Certificazione Razziale e caratterizzazione del Tipo Genetico Beenomix

Il progetto Beenomix ha inserito tra i suoi obiettivi iniziali l'utilizzo delle più moderne tecniche genomiche per applicazioni su importanti aspetti legati alla genetica apistica. Come è noto in *Apis mellifera* l'attribuzione di appartenenza ad una particolare sub-specie si svolge tradizionalmente mediante un'analisi sui valori morfometrici dell'ala anteriore destra e sulla pigmentazione del terzo tergite.

Il Progetto Beenomix ha voluto effettuare un'indagine sull'intero territorio nazionale effettuando un campionamento su 125 alveari appartenenti a 7 differenti tipi genetici dichiarati e procedendo al sequenziamento completo del genoma delle api prelevate. L'analisi dei dati ottenuti ha permesso di distinguere, sulla base di marcatori SNP, dei gruppi relativamente omogenei afferenti ad altrettante sub-specie di appartenenza. Gli stessi campioni sono stati parallelamente analizzati con l'utilizzo dei parametri morfometrici ed è emersa l'importanza di utilizzare metodologie genomiche avanzate per ottenere una migliore caratterizzazione del gruppo di appartenenza.

Il lavoro svolto nel primo biennio ha posto le basi per un'ulteriore analisi svolta sulla popolazione di api in selezione nell'ambito del progetto Beenomix: tale popolazione è stata campionata e analizzata con l'obiettivo di caratterizzarne i contorni e darne una collocazione genetica rispetto ai tipi genetici presenti sul territorio nazionale.

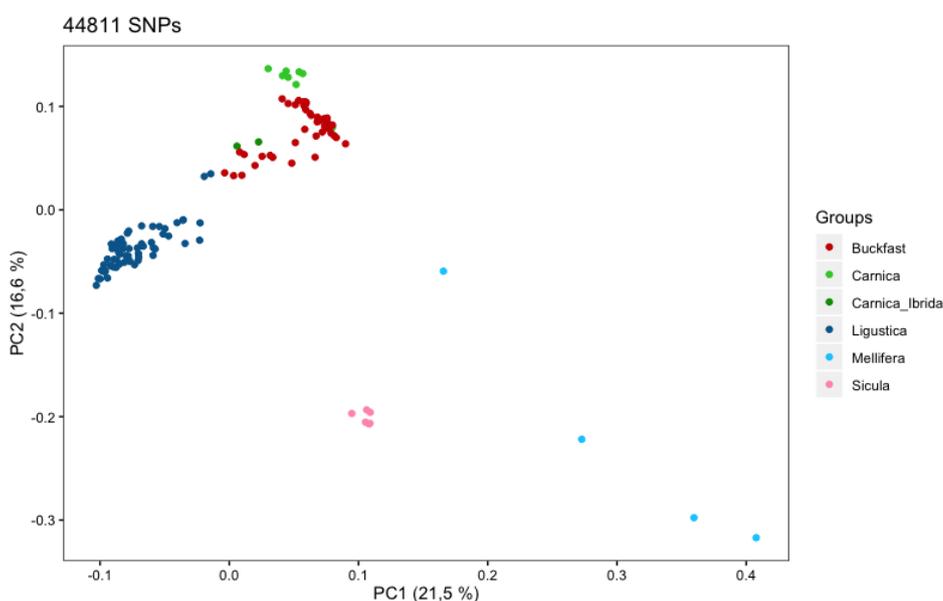


Figura 1. Distribuzione dei 125 campioni di api appartenenti alle diverse sub-specie